

**COGNOME NOME**  
**MIGNONE FLAVIO**

Professione : Ricercatore

*E-mail:* [flavio.mignone@unimi.it](mailto:flavio.mignone@unimi.it)

**CURRICULUM**

Dal 2006 -Ricercatore Informatica (INF/01) Università degli Studi di Milano  
2004-2006 - Assegnista, Facoltà di Scienze MM.FF.NN, Università degli Studi di Milano  
2008 - Laurea Ingegneria Informatica, Politecnico di Torino  
2000-2004 Dottorato in Biologia Cellulare e Molecolare, Università degli Studi di Milano  
1998 - Laurea in Scienze Biologiche, Università degli Studi di Milano

**PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE**

(5 pubblicazioni più recenti)

Picardi E, Mignone F, Pesole G.

EasyCluster: a fast and efficient gene-oriented clustering tool for large-scale transcriptome data.  
BMC Bioinformatics. 2009 Jun 16;10 Suppl 6:S10.

Guffanti A, Iacono M, Pelucchi P, Kim N, Soldà G, Croft LJ, Taft RJ, Rizzi E, Askarian-Amiri M, Bonnal RJ, Callari M, Mignone F, Pesole G, Bertalot G, Bernardi LR, Albertini A, Lee C, Mattick JS, Zucchi I, De Bellis G.

A transcriptional sketch of a primary human breast cancer by 454 deep sequencing. BMC Genomics. 2009 Apr 20;10:163.

Mignone F, Anselmo A, Donvito G, Maggi GP, Grillo G, Pesole G.

Genome-wide identification of coding and non-coding conserved sequence tags in human and mouse genomes.  
BMC Genomics. 2008 Jun 11;9:277.

Frith MC, Bailey TL, Kasukawa T, Mignone F, Kummerfeld SK, Madera M, Sunkara S, Furuno M, Bult CJ, Quackenbush J, Kai C, Kawai J, Carninci P, Hayashizaki Y, Pesole G, Mattick JS.

Discrimination of non-protein-coding transcripts from protein-coding mRNA.  
RNA Biol. 2006 Jan-Mar;3(1):40-8.

Iacono M, Mignone F, Pesole G.

uAUG and uORFs in human and rodent 5'untranslated mRNAs.  
Gene. 2005 Apr 11;349:97-105.

*Orario di Ricevimento*

*Su appuntamento preferibilmente via e-mail  
(luogo e ora saranno concordati di volta in volta)*