

SCHEDA DISPONIBILITA' PER ATTIVITA' DI LABORATORIO PER ESAME FINALE (Laurea) CDL BIOTECNOLOGIE INTERFACOLTA' (triennale)	
Relatore o co-relatore:	
<i>Nome:</i>	Davide Rossi
<i>Ruolo*:</i>	Ricercatore
<i>Disciplina*:</i>	Malattie del Sangue
<i>* nel caso di laboratorio extra-universitario indicare la struttura</i>	
<i>Recapito telefonico e/o mail</i>	Tel: 0321 660698 e-mail: rossidav@med.unipmn.it
Relatore garante:	
(nel caso di co-relatore esterno ai Dipartimenti afferenti al cdl)	
N° tirocini disponibili I semestre	1
N° tirocini disponibili II semestre	1
Titolo e descrizione attività proposta	(max 500 caratteri circa)
<p>La leucemia linfatica cronica (CLL) è la leucemia più comune fra gli adulti del mondo occidentale. Avvalendosi delle metodiche di whole exome/genome sequencing per lo studio della CLL, il nostro e altri gruppi di ricerca sono riusciti ad identificare mutazioni ricorrenti ($\geq 5\%$) nei geni <i>BIRC3</i>, <i>MYD88</i>, <i>NOTCH1</i>, <i>POT1</i> e <i>SF3B1</i>. Dato il numero crescente di nuove mutazioni nella CLL, anche per questa patologia si rende necessaria una caratterizzazione sistematica delle lesioni genetiche, simile a quella ottenuta per la leucemia acuta, al fine di fornire una visione completa del genoma di questa malattia e di chiarire l'impatto delle nuove lesioni molecolari sulla prognosi. Studiando oltre 1000 casi di CLL, il progetto mira a raggruppare le mutazioni di <i>BIRC3</i>, <i>MYD88</i>, <i>NOTCH1</i>, <i>POT1</i> e <i>SF3B1</i> nei sottogruppi di CLL che condividono lo stesso profilo genetico, oltre che a scoprire il loro ordine gerarchico e la loro rilevanza nell'influenzare la prognosi della CLL.</p>	
Pubblicazioni recenti più significative	(max 4) 1° autore, titolo, rivista, anno:
<ol style="list-style-type: none"> Rossi D, et al. Mutations of the SF3B1 splicing factor in chronic lymphocytic leukemia: association with progression and fludarabine-refractoriness. <i>Blood</i>. 2011;118:6904-8. Rossi D, et al. Disruption of BIRC3 associates with fludarabine chemorefractoriness in TP53 wild type chronic lymphocytic leukemia. <i>Blood</i>. 2012; doi: 10.1182/blood-2011-12-395673 Rossi D, et al. Mutations of NOTCH1 are an independent predictor of survival in chronic lymphocytic leukemia. <i>Blood</i>. 2012 Jan 12;119:521-9. Rossi D, et al. The genetics of Richter syndrome reveals disease heterogeneity and predicts survival after transformation. <i>Blood</i>. 2011;117:3391-3401. 	