

SCHEDA DISPONIBILITA' PER ATTIVITA' DI LABORATORIO PER ESAME FINALE (Laurea) CDL BIOTECNOLOGIE (triennale)	
Relatore o co-relatore:	
Nome:	Diego Cotella
Ruolo*:	Ricercatore
Disciplina*:	Biologia Applicata (BIO/13)
* nel caso di laboratorio extra-universitario indicare la struttura	
Recapito telefonico e/o mail	Diego.cotella@med.unipmn.it +39 (0) 321 660538
Relatore garante:	
(nel caso di co-relatore esterno ai Dipartimenti afferenti al cdl)	
N° tirocini disponibili I semestre	1
N° tirocini disponibili II semestre	1
Titolo e descrizione attività proposta	
Lo studente verra' inserito in una delle due linee di ricerca principali del Laboratorio: 1) Caratterizzazione dell'autoimmunoma. Il gruppo è specializzato nello studio dei meccanismi molecolari responsabili dell'insorgenza della risposta anticorpale nelle patologie autoimmunitarie e nelle malattie tumorali. Questi studi vengono affrontati utilizzando principalmente le tecnologie del "phage display" e del "protein arrays", e hanno permesso di identificare i profili di risposta anticorpale delle malattie oggetto di studio. 2) Selezione di anticorpi ricombinanti di interesse terapeutico e diagnostico. Il gruppo dispone di una libreria anticorpale costruita con il sistema del phage display. Nell'ambito di diversi progetti collaborativi il gruppo ha isolato anticorpi ricombinanti di potenziale interesse terapeutico diretti contro oltre 60 diverse proteine che includono: tossine batteriche; frazioni del complemento umano; proteine inibitorie del complemento umano; diversi recettori cellulari.	
Pubblicazioni recenti più significative	
1) Deantonio C <i>et al.</i> Phage display technology for human monoclonal antibodies. <i>Methods Mol Biol.</i> (2014) 1060:277-95. doi: 10.1007/978-1-62703-586-6_14. 2) D'Angelo S <i>et al.</i> Profiling celiac disease antibody repertoire. <i>Clin Immunol.</i> (2013) 148(1):99-109. doi: 10.1016/j.clim.2013.04.009. 3) Boscolo S <i>et al</i> Simple scale-up of recombinant antibody production using an UCOE containing vector. <i>N Biotechnol.</i> (2012) 15;29(4):477-84. doi: 10.1016/j.nbt.2011.12.005 4) Di Niro R <i>et al.</i> Rapid interactome profiling by massive sequencing. <i>Nucleic Acids Res.</i> (2010). 38(9):e110. doi: 10.1093/nar/gkq052.	