

GENETICA
corso integrato di *Genetica*

Codice Disciplina: MS0188 Codice Corso integrato: MS0188	Settore: MED/03	N° CFU: 6
Docente: Giordano Mara	Ore : 48	Corso di Laurea : Biotechnologie Anno : II Semestre : I

Obiettivo del modulo

Comprendere le relazioni esistenti tra l'informazione genetica e il fenotipo. Saper valutare il rischio di ricorrenza di patologie genetiche o con componente genetica nelle famiglie. Conoscere le basi molecolari delle malattie con base genetica. Applicare le conoscenze all'analisi e risoluzione di problemi di genetica formale e genetica molecolare.

Conoscenze ed abilità attese

Nozioni fondamentali di biochimica, biologia cellulare e statistica.

Programma del corso

Organizzazione del DNA nei cromosomi.	Struttura del DNA. Struttura e funzione del cromosoma. Criteri di classificazione dei cromosomi e metodi per la loro identificazione.
Genoma Umano	Struttura del genoma. Organizzazione dei geni. Elementi trasponibili. Sequenze ripetute. Famiglie geniche.
Divisione cellulare: mitosi e meiosi	Replicazione del DNA. Mitosi e meiosi; conseguenze genetiche della meiosi.
Correlazione genotipo-fenotipo (esempio: gruppo sanguigno ABO; anemia falciforme)	La traduzione delle proteine e il codice genetico. Correlazione tra tipo di mutazioni e fenotipo dominante o recessivo a diversi livelli di indagine del fenotipo.
Trasmissione caratteri monofattoriali	Principi della genetica mendeliana. Trasmissione nelle famiglie dei caratteri monofattoriali autosomici recessivi, dominanti e X-linked; rischi di ricorrenza nelle famiglie.
"Eccezioni" alle leggi di Mendel	Penetranza incompleta, espressività variabile, eterogeneità genetica. Inattivazione del cromosoma X, eredità mitocondriale, imprinting genomico
Aberrazioni cromosomiche	Aberrazioni cromosomiche e loro incidenza alla nascita; rischi riproduttivi connessi con le aberrazioni cromosomiche.
Genetica di popolazione	Frequenze geniche e genotipiche nella popolazione e equilibrio di Hardy-Weinberg.
Evoluzione delle popolazioni umane	Forze evolutive (mutazione, selezione, deriva genetica, migrazione) che influiscono sulla frequenza delle malattie genetiche in diverse popolazioni.
Trasmissione caratteri indipendenti e concatenati	Localizzazione dei geni sul genoma in base alla loro trasmissione nelle famiglie (analisi di linkage). Metodi per il mappaggio dei geni
Caratteri multifattoriali	Distribuzione nella popolazione dei caratteri multifattoriali; valutazione del peso della componente genetica in un carattere multifattoriale; identificazione dei geni di suscettibilità a malattie multifattoriali.
Metodi di indagine del DNA	Polymerase Chain Reaction (PCR); Analisi di polimorfismi VNTR, STR e fingerprint; Sequenziamento del DNA; Metodi per l'identificazione di variazioni nucleotidiche.

Esercitazioni

Laboratorio (vedere scheda).

Attività a scelta dello studente

Non previste.

Supporti alla didattica in uso alla docenza

Videoproiettore e computer con collegamento Internet in dotazione all'aula
Laboratorio per le esercitazioni pratiche
Computer in dotazione all'aula informatica

Strumenti didattici

Presentazioni in formato MS-Power Point
Testi dei problemi - da risolvere in classe - con relativa discussione

Materiali di consumo previsti

Fotocopie dei problemi
Materiale di laboratorio (reagenti per PCR, colonnine per estrazione del DNA)

Eventuale bibliografia

Eredità, Principi e problematiche della genetica umana, M.R. Cummings, Edizioni EdiSES, II edizione (2009)
Genetica, Peter J. Russel, Edizioni EdiSES, II edizione

Verifica dell'apprendimento

L'apprendimento verrà verificato tramite esame scritto con domande aperte e/o a scelta multipla.
Per la maggior parte delle domande, la risposta richiede la risoluzione di problemi.